

Grand panel hémopathies lymphoïdes B et T: Agilent®

Technique : Librairie préparée par PCR multiplex (Sure Select Custom, Agilent Technologies®) couvrant la séquence codante des 61 gènes étudiés. Séquençage de nouvelle génération (NGS) sur séquenceur Miseq® Illumina.

Gènes : Séquences de référence (hg19) : *ARID1A* (NM_006015), *ATM* (NM_000051), *B2M* (NM_004048), *BCL2* (NM_000633), *BCOR* (NM_001123385), *BIRC3* (exons 7 à 10, NM_182962), *BRAF* (exon15, NM_004333), *BTB* (NM_000061), *CARD11* (exons 4 à 10, NM_001324281), *CCL22* (exons 2 et 3, NM_002990), *CCND3* (exon 5, NM_001760), *CCDN1* (exon 1, NM_053056), *CD28* (NM_006139), *CD37* (NM_001774), *CD79A* (exons 4 et 5, NM_001783), *CD79B* (NM_000626), *CREBP* (NM_004380), *CXCR4* (NM_003467), *DMT3A* (NM_022552), *EGR2* (NM_000399), *EP300* (NM_001429), *EZH2* (exons 16 à 17, NM_004456), *FBWX7* (NM_001349798), *ID3* (NM_002167), *GNA13* (NM_006572), *IDH2* (exon 4, NM_002168), *IGLL5* (NM_001178126), *JAK1* (exons 14 à 25, NM_002227), *JAK3* (NM_000215), *KLF2* (NM_016270), *KMT2D* (NM_003482), *KRAS* (NM_033360), *MYC* (NM_002467), *MYD88* (exons 3 à 5, NM_002468), *NFKBIE* (NM_004556), *NOTCH1* (exon 34 et 3'UTR, NM_017617), *NOTCH2* (exon 34 et 3'UTR, NM_024408), *PIM1* (NM_0022648), *PLCG1* (NM_002660), *PLCG2* (NM_002661), *POT1* (NM_015450), *PRDM1* (exons 1 et 2, NM_001198), *PTPN1* (exons 2 à 6, NM_002827), *PTPRD* (NM_002839), *RHOA* (NM_001664), *RPS15* (NM_001018), *SAMHD1* (NM_015474), *SF3B1* (exons 12 à 18, NM_012433), *SMARCA4* (NM_003072), *SPI1* (exon 5, NM_003120), *STAT3* (exons 19 à 21, NM_139276), *STAT5B* (exons 14 à 17, NM_012448), *STAT6* (exon 12 à 18, NM_003153), *TBL1XR1* (NM_024665), *TCF3* (NM_003200), *TET2* (NM_001127208), *TNFAIP3* (NM_006290), *TNFRSF14* (exons 2 et 4, NM_003820), *TP53* (NM_000546), *XPO1* (exon 15, NM_003400)